





















FastGene™ RNA Premium Kit

培養細胞および組織等からのトータルRNAの精製とゲノムDNA除去
 FG-81006 (6preps), FG-81050 (50preps), FG-81250 (250preps)

ステップ	スタンダードプロトコル	ラーズインプットプロトコル
サンプルの準備と量の確認	< 5×10 ⁶ 培養細胞 < 10 mg 組織	< 1×10 ⁷ 培養細胞 < 20 mg 組織
細胞の溶解とホモジナイズ	 350 μL バッファー RL ^{*1} 添加後十分にホモジナイズ S	 600 μL バッファー RL ^{*1} 添加後十分にホモジナイズ S
ライゼートの清澄化	  FastGene™ RNA filter column にライゼート添加 ≥ 10,000 x g (室温: 20 ~ 25°C) 1 min FastGene™ RNA filter column 廃棄後 ろ液を回収	
カラム結合条件の調整	 350 μL 70% エタノール ピペティングで混合	 600 μL 70% エタノール ピペティングで混合
カラム結合	  FastGene™ RNA binding column に 最大 700 μL までのサンプル溶液を添加 ≥ 10,000 x g (室温: 20 ~ 25°C) 1 min ろ液廃棄後 カラムを元のコレクションチューブ (2.0mL) に戻す	サンプル溶液が なくなるまで繰り返す
メンブレン洗浄 1 (タンパク除去)	 600 μL バッファー RW1 ≥ 10,000 x g (室温: 20 ~ 25°C) 30 s カラムを新しいコレクションチューブ (2.0mL) に移す	
メンブレン洗浄 2 (塩類の除去)	 700 μL バッファー RW2 ^{*1} ≥ 10,000 x g (室温: 20 ~ 25°C) 30 s カラムを新しいコレクションチューブ (2.0mL) に移す	
メンブレン乾燥	 フルスPEEDで遠心 (室温: 20 ~ 25°C) 1min カラムを新しいコレクションチューブ (1.5mL) に移す	
溶出	 50 μL バッファー RE (注: メンブレンの中央に添加) ≥ 10,000 x g (室温: 20 ~ 25°C) 1 min FastGene™ RNA binding column 廃棄後 溶出液を回収 S	
DNase I 反応条件の調整	 5 μL 10x DNase I reaction buffer	
DNase I 反応 (DNAの分解)	 1 μL DNase I ^{*1} ピペティングで混合 (ピペットを 50 μL にセット) インキュベート (室温: 20 ~ 25°C) 10 min	
カラム結合条件の 再調整	 250 μL バッファー RBD ^{*1} ピペティングで混合	
カラム結合	  FastGene™ RNA mini-elute column にサンプル溶液を添加 ≥ 10,000 x g (室温: 20 ~ 25°C) 1 min ろ液廃棄後 カラムを元のコレクションチューブ (2.0mL) に戻す	
メンブレン洗浄 3 (塩類と分解DNAの除去)	 700 μL バッファー RW2 ^{*1} ≥ 10,000 x g (室温: 20 ~ 25°C) 30 s カラムを新しいコレクションチューブ (2.0mL) に移す	
メンブレン乾燥	 フルスPEEDで遠心 (室温: 20 ~ 25°C) 1 min カラムを新しいコレクションチューブ (1.5mL) に移す	
溶出	 適量 ^{*2} の バッファー RE (注: メンブレンの中央に添加) ≥ 10,000 x g (室温: 20 ~ 25°C) 1 min FastGene™ RNA mini-elute column 廃棄後 溶出液を回収	





















※1: これらの試薬は事前調整が必要です。 ※2: スタンダードプロトコル 20 μL (10 ~ 50 μL)、ラーズインプットプロトコル 50 μL (20 ~ 50 μL)

S Safety Stopping Point. この操作後、-70°C以下の保存も可能です。


FastGene™ RNA Premium Kit

For purification of total RNA (gDNA removed) from animal cells/tissues

FG-81006 (6preps), FG-81050 (50preps), FG-81250 (250preps)

Step	Standard protocol	Large input protocol
Sample quantity	< 5×10 ⁶ cultured animal cells < 10 mg animal tissues	< 1×10 ⁷ cultured animal cells < 20 mg animal tissues
Resuspension/homogenization by cell lysis	 350 μL buffer RL ^{※1} Vortex vigorously 	 600 μL buffer RL ^{※1} Vortex vigorously 
Filtration of cellular debris	 Transfer lysate into a FastGene™ RNA filter column Centrifuge at ≥ 10,000 x g (RT : 20 ~ 25°C) 1 min Discard filter column, Harvest flow-through	
Optimize RNA binding conditions	 Add 350 μL 70 % ethanol Mix thoroughly by pipetting	 Add 600 μL 70 % ethanol Mix thoroughly by pipetting
RNA binding	 Load mix (up to 700 μL) onto FastGene™ RNA binding column Centrifuge at ≥ 10,000 x g (RT : 20 ~ 25°C) 1 min Discard flow-through, Re-insert binding column in collection tube (2.0 mL)	Repeat the procedure for larger volume.
Protein elimination	 Add 600 μL of buffer RW1 Centrifuge at ≥ 10,000 x g (RT : 20 ~ 25°C) 30 s Transfer binding column to new collection tube (2.0 mL)	
Desalination	 Add 700 μL of buffer RW2 ^{※1} Centrifuge at ≥ 10,000 x g (RT : 20 ~ 25°C) 30 s Transfer binding column to new collection tube (2.0 mL)	
Removal of RW2	 Centrifuge at full speed (RT : 20 ~ 25°C) 1 min Transfer binding column to new collection tube (1.5 mL)	
Elution of RNA	 Add 50 μL of buffer RE to membrane center Centrifuge at ≥ 10,000 x g (RT : 20 ~ 25°C) 1 min Discard binding column, Harvest eluted solution 	
Optimize DNase I conditions	 Add 5 μL 10x DNase I reaction buffer	
DNA digestion	 Add 1 μL of DNase I ^{※1} to the mixture Mix thoroughly by pipetting Incubate for 10 min (at room temp. 20-25°C)	
RNA rebinding optimization	 Add 250 μL of buffer RBD ^{※1} to the mixture Mix thoroughly by pipetting	
RNA binding	 Transfer mixture into FastGene™ RNA mini-elute column Centrifuge at ≥ 10,000 x g (RT : 20 ~ 25°C) 1 min Discard flow-through, Re-insert binding column in collection tube (2.0 mL)	
Desalination/ Elimination of digested DNA	 Add 700 μL buffer RW2 ^{※1} Centrifuge at ≥ 10,000 x g (RT : 20 ~ 25°C) 30 s Transfer mini-elute column in new collection tube (2 mL)	
Removal of RW2	 Centrifuge at full speed (RT : 20 ~ 25°C) 1 min Transfer mini-elute column in new collection tube (1.5 mL)	
Elution of RNA	 Add appropriate volume ^{※2} of buffer RE to the membrane center Centrifuge at ≥ 10,000 x g (RT : 20 ~ 25°C) 1 min Discard mini-elute column, Harvest eluted solution	

※1 : need preparation before use. ※2 : Standard protocol 20 μL (10 ~ 50 μL), Large input protocol 50 μL (20 ~ 50 μL)

 Safety Stopping Point. Sample after homogenize step or 1st elution step can be stored at -70°C.



NIPPON GENETICS EUROPE GmbH

(English web page) www.nippongenetics.eu (German web page) www.nippongenetics.de

2017 NOV/Rev.01.0